

Protein Alignment Summary Table (Vpr)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	Nature 333, 457-461 (1988)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	J. Virol. 64, 1086-92 (1990)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	Virology 176, 216-221 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 69, 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	Virology 182, 397-402 (1991)
SABIC	U04005	complete genome	Jin, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
U20965	U20965	vpr	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
U20967	U20967	vpr	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	Virology 228, 394-399 (1997)

AGM VPR

VERVET .CON MSG.....RdPREARPe?E1WDLsREpMDeWLRDMLed?NgEAK1HFGRRELLfQVWNYCOEE GER?qtDm?ERAYkY?LVOKALFVHPRCGRRRQPEPY.....EERRdGQGGGR 106
 AGMTYOV-----Y-----K-----Q-L--R-----H---M-----N----- 110
 AGM155E-GL-----V-El-N-----Q-R-IA-----K-----N----- 110
 AGM3L-----I-----M-----L-----NR-L-----K----- 110
 SIVREV-G--N--V-----N-----L-----R-A-T-----R----- 110

GRIVET .CONPL-WL-----D-----Q--R-L-E--RR--MNM-IR-----V--.-R-HN--WN-IG-----I--SM-----G--S-----N----- 109
 AGM677-PL--WL-----D-----Q--R-L-E--RR--MNM-IR-----V--.-R-HN--WN-IG-----I--SM-----G--S-----N----- 109

SABAUS .CONGWLlPP?GGDPpKdPPKPN--Ei--Wl-T---?--F-----Q-L--Qc--P--N--RL--WNIV--PAIDr-Q?RI-GW-----IL-----MKGR-CKPktHPA-GPGAGGPp-L--ap 127
 SABL CGWLpPVGGEPpKdPPKPN--El--Wl-T---P--F-----Q-L-S--Qc--P--N--RL--WNIV--PAIDH-Q?RL-GW---C--IL-----MKGR-CKPktHPA-GPGAGGPp-L--AS 130
 U20965GWLpP?GGDPpKdPPKPN--EV--Wl-T---D--F-----Q-L--QY--P--N--RL--WNIV--PAIDr-QSRL-GW---VL-----MKGR-CKPktHPA-GPG.GG.PP-L--AP 128
 U20967GWLlPPMGGDpKdPPKPN--Ei--Wl-T---A--F-----Q-L--Qc--P--N--RL--WNIV--PAIDr-Q?RI-GW---IL-----Y--MKGR-CKPktHPA-GPGAGGPp-L--TP 130

CONSENSUS .TAN --E-.....S--R--Wl-----S--VAEL---QR-----F---N-A-I---R-----T-----N-V----- 109
 TAN1 --E-.....S--R--Wl-----S--VAEL---QR-----F---N-A-I---R-----T-----N-V----- 109

VERVET .CON a?R...vPPGLdS 114
 AGMTYO -N-.....E 119
 AGM155 PG-..... 119
 AGM3 -G-..... 119
 SIVREV -N-...A----- 119

GRIVET .CON ..APP----- 117
 AGM677 ...APP----- 117

SABAUS .CON GG.Aaaa---\$ 137
 SABL C GG.AASAA--- 140
 U20965 GG.AAAA---\$ 138
 U20967 GG.ASAAA---\$ 140

CONSENSUS .TAN DG,.RPP-----A- 119
 TAN1 DG,.REP-----A- 119