

Protein Alignment Summary Table (VII)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	Nature 333, 457-461 (1988)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	J. Virol. 64, 1086-92 (1990)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	Virology 176, 216-221 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 69, 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	Virology 182, 397-402 (1991)
SABIC	U04005	complete genome	Jin, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
SYK	L06042	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 67, 1517-28 (1993)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	Virology 228, 394-399 (1997)

AGM VII

VERVEET .CON MngGekWMBvTMKvP? ?1ITKMOGIVfYmWr .kRnLk .w?y?mHvQItWAWYTMsrYvP?g?hge IhvDIYMHLLPegGMLSTYAvGhQY?snv? ?k .yRTTElDPatADsmIH?HvFcfFeRAL?GA
 AGMTYO -PN-----GD-----N-Y-----I-K-----C-----V-LES-----I-G--N--K-----Q
 AGM155 -S--H--L--QBEV-----N-----E-K-----LPGS-----I--A-K-----V-L-ND-----N-----D
 AGM3 -----DE-----T-K-D--K-R-----E-L-Q-S-----K-----L-RDPW-----L-T-----RK-
 SIVREV -----SGD-----K--T-----Q-M-----N-----C-I-I-L-E-----QI-C-----R-----I-----LGA-GN..F-----G--L--S-----K-

GRIVET .CON -ER--Q-IV--V-R-SERO-SR-R--T-KI .NKQ-P .-E-RH-W-VQ-QFM-Y-QFI--LSKDDY-E-NI-HN-----R-----SHG--LS-Y .HOKG .-K--V--G--R-----LY--N--D-----Q
 AGM677 -ER--Q-IV--V-R-SERQ-SR-R--T-KI .NKQ-P .-E-RH-W-VQ-QFM-Y-QFI--LSKDDY-E-NI-HN-----R-----SHG--LS-Y .HOKG .-K--V--G--R-----LY--N--D-----Q

SABAUEUS .CON -.-.-H-IV-PL--TGQOER-TSL-K-H-HVSKOCVH-R-TP-TK-R-N-SYQEM--LKDGAL-K-TN-----K--E--T--G--...SKGE .WF-----W--HI--WS--P--D--V-Q-
 SABL C -.-.-H-IV-PL--TGQOER-TSL-K-H-HVSKOCVH-R-TP-TK-R-N-SYQEM--LKDGAL-K-TN-----K--E--T--G--...SKGE .WF-----W--HI--WS--P--D--V-Q-

SYKES .CON -.-.-IVVP--RMTPRQ-DRL-H-IKTHKYSKE-EKAT-KH-----E-Q--YQWMT--V-.D-T-WITP-HN-A-R--HMGGIR-----...QMNQMN-D-T--V--RL--NF--P--A--VNO-
 SYK -.-.-IVVP--RMTPRQ-DRL-H-IKTHKYSKE-EKAT-KH-----E-Q--YQWMT--V-.D-T-WITP-HN-A-R--HMGGIR-----...QMNQMN-D-T--V--RL--NF--P--A--VNO-

TANTALUS .CON -ER--L--T--L--R-SGEH-D--K--K--H--N--QD-T-L-----CG-----C-FL--L-GE-K-V--C-----A-SF .E-W .QNT-K--VT-DV--H--C--P--D-----Q-
 TANI -ER--L--T--L--R-SGEH-D--K--K--H--N--QD-T-L-----CG-----C-FL--L-GE-K-V--C-----A-SF .E-W .QNT-K--VT-DV--H--C--P--D-----Q-

VERVEET .CON lrc?RFV .fCQfPegHK?TGdVPSLQYLALIAHQNG .lRERSGrgKtrr?RnIgsKOGavGRMAkr?VvRSQsqsq?AFw?R?PvPSMBLLSGGrr?cg?shdghG1 \$
 AGMTYO -H-----S-----K-----S-----Y-T-----P-GEA--E-T-----K-WY-----
 AGM155 -N-I--G--L-----K--E--T--Q-----Q-YG-----N-QR--T--P--T--I-----G-KT--S--I
 AGM3 -L-Q--T-----K-----Q--S--GGT--M--FE-----HA-----Y-----D--A--A-----G-KESH--AR--
 SIVREV -I--E-----T-----K-----I-----KQA--S--D-----RIM-----GH-----IT--Q--A--L-----L-----E--SPV--B--

GRIVET .CON I--EKYT .W--T--K-----Q--L--V--YT-----I--K--K--TP--MAG--R--M-----T--HAQ-----G--KRR--K--L--NEHAN----- .CRGAKET
 AGM677 I--EKYT .W--T--K-----Q--L--V--YT-----I--K--K--TP--MAG--R--M-----T--HAQ-----G--KRR--K--L--NEHAN----- .CRGAKET

SABAUEUS .CON I--EKYL .W--KHQV--QP-----RVVY-----RVAPT .S--GSSQ--P--ESORRDT--RNMWGFARAVRRMAPRHVTGPQ--RGPV--L--KSPFPS--VEYGR--SH\$SWANQAGR
 SABL C I--EKYL .W--KHQV--QP-----RVVY-----RVAPT .S--GSSQ--P--ESORRDT--RNMWGFARAVRRMAPRHVTGPQ--RGPV--L--KSPFPS--VEYGR--SH\$SWANQAGR

SYKES .CON V--ELLTSH--WT--TD-----QVYLKD--GGFLQ--LPAGA--NTMV--H--KCR--DPKRDQCHCKG-----TGSDR--IQ--YSSRNITWL--SILKR--GRD
 SYK V--ELLTSH--WT--TD-----QVYLKD--GGFLQ--LPAGA--NTMV--H--KCR--DPKRDQCHCKG-----TGSDR--IQ--YSSRNITWL--SILKR--GRD

TANTALUS .CON I--ES--L--W--TYK--VAENHW--R--F--TVYTDPLR--R--K--F--GK--WV-----Q-----I--HGS-----T-----TTP--E--T--L-----R--GKEWGTN--R-----
 TANI I--ES--L--W--TYK--VAENHW--R--F--TVYTDPLR--R--K--F--GK--WV-----Q-----I--HGS-----T-----TTP--E--T--L-----R--GKEWGTN--R-----