

## Protein Alignment Summary Table (Tat)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	Nature 333, 457-461 (1988)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	J. Virol. 64, 1086-92 (1990)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	Virology 176, 216-221 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 69, 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	Virology 182, 397-402 (1991)
SABIC	U04005	complete genome	Jim, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
U20812	U20812	tat	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
U20814	U20814	tat	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
SYK	L06042	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 67, 1517-28 (1993)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	Virology 228, 394-399 (1997)

AGM TAT

VERVET .CON MDKGeeg? vshODLl egYkKPL?tcENKCFCKKCCYHQJ CFLgKGLGvTYHApRtR, RKKIasi1?r?Pp?Q, SIsEr?GRD?QltgEsQ?KvEt?at?r?lGRknl?r?r?avGa?A\$ 100  
 AGMTYO -----A- I. -----S-D-Q--Q--K-----R-NLA-L-H. -----KW--G--PT--E--T-GSN 100  
 AGM155 -----D-D. -----K-R-E-----F--R--I--F--AD-I-VPQ. ---I. ---S-----K--EQ-KANIRIS---GDET-GP---G 118  
 AGM3 -----D-G-AY-----L-A-KR-----Y-C-----I. ---P-D-F-E-K. ---S---KG-E---S-R-APS-----A00SGR-T--S 118  
 SIVREV -----RT.-L-----R-----T-R-----SVQPN-LSQ-D. -----G-A-----K--RETT-AQI-----D-ERDK-E---N-- 119

GRIVET .CON -----E-. -PH. PLL-----HR--QP-----Y-----E-----R-VS-K-. -TSTODNOD-IRQ-. -----V.Q-NG---E-GKTE-- 88  
 AGM677 -----E-. -PH. PLL-----HR--QP-----Y-----E-----R-VS-K-. -TSTQDNQD-IRQ-. -----V.Q-NG---E-GKTE-- 88

SABAUS .CON -----Oe?-ARP. QVWEE-Q-EL?R-QA-d-t-y--?-f--?-?-A--Ic-YV--?-R?s-KIQNKV-VHN\$. -----WT--S--KKK-?T?-G?-?TAD-T---E-?-D-CVPD\$Q?GSG?\$ 101  
 SABL C -----Oe?-ARP. QVWEE-Q-ELHR-QA-D-T---V-F--I--HK-A--IR-YV--P-RAS-KI-HNOYSIHN 73  
 U20812 -----AOE-.AR. QVWEE-Q-ELQR-QA-D-P-Y-----S--TR-A--IC-YV--K-R-A-KIQNKV-VHN\$. -----WT--S--KKK-KTA-G\$TKTADPT---E-SADTCVBD\$Q?LGSST\$ 116  
 U20814 -----QVR-GRP. QVWEE-Q-ELRR-QA-N-T-Y--A--F--V--N-A--IC-YV--RHS-KIQNKV-VHN\$. -----WT--S--KKK--T--G-P-TADHT---E--SDICVBD\$Q?FGSGI\$ 119

SYKES .CON MSSTDQICQ?QVRVP. SFLEGTPL E.-G-PTP. -----N-----I--AR--K-AARS-SEDDSA-TGTL. PRAG-TQAMP--KKKA...---EKDSTSILPSAE-- 110  
 SYK MSSTDQICQ?QVRVP. SFLEGTPL E.-G-PTP. -----N-----I--AR--K-AARS-SEDDSA-TGTL. PRAG-TQAMP--KKKA...---EKDSTSILPSAE-- 110

TANTALUS .CON MES. .... EGDGMAESLL--H....R--TP-----R-----V-----I--VS-I-. -P-KNHSNHQNLVS-Q--A.W-GNS-----EKT-IPAA-E-SRRPQ\$ 101  
 TANI MES. .... EGDGMAESLL--H....R--TP-----R-----V-----I--VS-I-. -P-KNHSNHQNLVS-Q--A.W-GNS-----EKT-IPAA-E-SRRPQ\$ 101