

p15 Epitope 1

CONSENSUS-B	LEEMMTAÇQGVGGPGRHKARV		
CONSENSUS-D	-----g-----		
D.UG.94UG1141	-----S-----		
D.ZR.84ZR085	-----S-----		
D.ZR.NDK	-----S-----		
D.ZR.Z2Z6	-----S-----		
CONSENSUS-F	-----S-----		
F.BR.93BR0201	-----S-----		
F.FI.FIN6393	-----R-----		
F.BR.B2162	-----R-----		
F.ZR.VI174	-----R-----		
F.BE.VI325	-----R-----		
F.RW.VI69	-----I-----		
CONSENSUS-G	-----s-----		
G.BE.DRCBL	-----S-----		
G.FI.HH8793	-----S-----		
G.SE.SE6165	-----S-----		
CONSENSUS-H	I-----S-----		
H.BE.VI991	I-----S-----		
H.BE.VI997	I-----S-----		
H.CF.90CF056	I-----S-----		
CONSENSUS-J	-----S-----		
J.SE.SE91733	-----S-----		
J.SE.SE92809	-----S-----		
N.CM.YBF30	-----A-----		
CONSENSUS-O	-----V-----T-----P?		
O.CM.ANT70C	-----V-----T-----P?		
O.CM.MVP5180	-----V-----T-----KI		
CONSENSUS-CPZ	-----?-----?-----		
CPZGAB	-----S-----		
CPZANT	-----L-----A-----		
CONSENSUS-B	KEGHGMRKDCcT. ?eRQANF		
Epitope 1	KEGHQWRKDCTeRQANF (A2)		
CONSENSUS-A	-----		
A.KE.Q23-CXC-CG	-----		
A.SE.SOSE7253	-----		
A.SE.TZSE8538	-----		
A.SE.UGSE6594	-----		
A.SE.UGSE7535	-----		
A.UG.92UG037	-----		
A.UG.U455	-----		
AE.CF.90CF402	R-----		
AE.TH.93TH253	-----		
AE.TH.CM240	-----		
AG.DJ.DJ263	-----		
AG.DJ.DJ264	-----		
AG.NG.IBNG	-----G-----		
AGI.CY.94CY032	-----		
AGI.GR.97PVGH	-----		
AGI.GR.97PVMY	-----P-----S		
CONSENSUS-B	KEGHGMRKDCcTeRQANF		
B.AU.MBC18	-----L-----		
B.CN.RL42	-----		
B.DE.D31	-----		
B.FR.HXB2	-----		
B.FR.LAI	-----		
B.GA.OYI	R-----		
B.GB.CAM1	-----		
B.GB.MANC	-----		
B.JP.UH31	-----		
B.NL.ACH320A	-----		
B.SP.89SP061	-----		
B.US.JRCSF	-----		
B.US.MN	-----E-----		
B.US.RF	-----		
B.US.SF2	-----		
B.US.WEAU160	R-----		
	Q-----		
CONSENSUS-C	-----		
C.BR.92BR025	-----V-----		
C.BW.BW96BW0502	-----		
C.ET.FTH2220	-----		
C.IN.11246	-----		
C.IN.301904	-----		
C.IN.301999	-----		
CONSENSUS-D	-----?-----		
D.UG.94UG1141	R-----		
D.ZR.84ZR085	-----		
D.ZR.NDK	R-----		
D.ZR.Z2Z6	-----L-----		
CONSENSUS-F	I-----		
F.BR.93BR0201	-----		
F.FI.FIN6393	Q-----		
F.BR.B2162	R-----		
F.ZR.VI174	-----G-----		
F.BE.VI325	R-----		
F.RW.VI69	-----		
CONSENSUS-G	-----E-----		
G.BE.DRCBL	-----		
G.FI.HH8793	-----		
G.SE.SE6165	-----		
CONSENSUS-H	I-----G-----		
H.BE.VI991	Q-----		
H.BE.VI997	R-----		
H.CF.90CF056	R-----		
CONSENSUS-J	-----		
J.SE.SE91733	-----		
J.SE.SE92809	-----		
N.CM.YBF30	Q-----KNEGRQA		
CONSENSUS-O	Q-----?NG?QAN		
O.CM.ANT70C	Q-----RNGKQAN		
O.CM.MVP5180	Q-----KNGRQAN		
CONSENSUS-CPZ	Q-----?--?--?--?--?--?		
CPZGAB	Q-----G--V--		
CPZANT	Q-----L--N--PATMTGK		

P15 Epitope 2

CONSENSUS-B Epitope 2 CONSENSUS-A	GNF1QSRPEPTAPPe GNF1QSRPEPTAPPe -P-----A	(A2)	CONSENSUS-D D.UG.94UG1141 D.ZR.84ZR085 D.ZR.INDK D.ZR.Z2Z6	-----A -----PAPPTAP -----A -----A -----A
A.KE.Q23-CXC-CG	-P-N-L-----A			
A.SE.SOSE7253	-P-----A			
A.SE.TZSE8538	-P-----A			
A.SE.UGSE6594	-P-----A			
A.SE.UGSE7535	-P-L-----A			
A.UG.92UG037	-P-----A			
A.UG.U455	-P-----A			
AE.CF.90CF402	-P-----M			
AE.TH.93TH253	-P-K-----A			
AE.TH.CM240	-P-----A			
AG.DJ.DJ263	-P-----A			
AG.DJ.DJ264	-P-----A			
AG.NG.IBNG	-P-----A			
AGI.CY.94CY032	-----N-----A			
AGI.GR.97PVGH	-----T-----A			
AGI.GR.97PVWV	-----T-----A			
CONSENSUS-B	GNF1QSRPEPTAPPe			
B.AU.MBC18	-----LQ			
B.CN.RL42	-----R-----			
B.DE.D31	-----R-----			
B.FR.HXB2	-----R-----			
B.FR.IAI	-----N-----A			
B.GA.OYI	-----N-----A			
B.GB.CAML	-----N-----A			
B.GB.MANC	-----N-----A			
B.JP.UH31	-----N-----A			
B.NL.ACH320A	-----N-----A			
B.SP.89SP061	-----P-N-L-----A			
B.US.JRC5F	-----R-----T-----			
B.US.MN	-----R-----T-----			
B.US.RF	-----R-----T-----			
B.US.SF2	-----R-----T-----			
B.US.WEAU160	-----P-----L-----			
CONSENSUS-C	-----?-----a			
C.BR.92BR025	-----L-----N-----T-----			
C.BW.BW96BW0502	-----N-----S-----A-----TV			
C.ET.ETH2220	-----N-----S-----A-----TV			
C.IN.11246	-----N-----S-----A-----TV			
C.IN.301904	-----N-----S-----A-----TV			
C.IN.301999	-----N-----S-----A-----TV			

Pol Epitope 1,2

CONSENSUS-B Epitope # 1(A*6802,A*740) 2 (A19)	ITLMWRPILV ITLMWRPILV ITLMWRPILV	CONSENSUS-D D.UG.94UG114 D.ZR.84ZR085 D.ZR.ELI D.ZR.INDK D.ZR.Z2Z6	-----V -----V -----V -----V -----V
A.KE.Q2317	-----A		
A.SE.SOSE7253	-----A		
A.SE.TZSE8538	-----A		
A.SE.UGSE8891	-----A		
A.UG.92UG037	-----A		
A.UG.U455	-----A		
AE.CF.90CF402	-----N-----A		
AE.TH.93TH253	-----N-----A		
AE.TH.CM240	-----N-----A		
AG.DJ.DJ263	-----P-K-L-----A		
AG.DJ.DJ264	-----P-K-L-----A		
AG.NG.IBNG	-----P-K-L-----A		
AGI.CY.94CY0323	-----N-----A		
AGI.GR.97PVGH	-----N-----A		
AGI.GR.97PVWV	-----N-----A		
CONSENSUS-B	ITLMWRPILV		
B.AU.MBC18	-----I		
B.CN.CNRL42	-----I		
B.DE.D31	-----I		
B.FR.HXB2R	-----V-----		
B.FR.IAI	-----V-----		
B.GA.OYI	-----V-----		
B.GB.CAML	-----V-----		
B.NL.ACH320A	-----V-N-T-----I		
B.US.JRFL	-----V-N-T-----I		
B.US.MN	-----V-N-T-----I		
B.US.RF	-----V-N-T-----I		
B.US.SF2	-----V-N-T-----I		
B.US.WEAU160	-----V-N-T-----I		
CONSENSUS-C	ITLMWRPILV		
C.BR.92BR025	-----I		
C.BW.96BW0502	-----I		
C.ET.ETH2220	-----I		
C.IN.11246	-----I		
C.IN.21068	-----I		
C.IN.301999	-----I		