

# Rev Epitope 1

Epitope #		HLA
1	ISERILSTY	A1
<b>B.FR.HXB2</b>	<b>ISERILGTY</b>	
<b>CONSENSUS-A</b>	<b>1-----s-C</b>	
A.KE.Q23-CXC-CG	-----S-C	
A.SE.SE6594	-----SAC	
A.SE.SE7253	-----S-C	
A.SE.SE7535	-----NAC	
A.SE.SE8131	L-Q---SAC	
A.SE.SE8538	-----S-C	
A.SE.SE8891	L-----S-C	
A.UG.92UG037	L---V-S-C	
A.UG.U455	L-----SDC	
A.UG.UG273A	L-Q---S-C	
A.UG.UG275A	L-----S-C	
AC.IN.21301	-----S-F	
AC.RW.92RW009	-----S-C	
AC.SE.SE9488	-----S-C	
AC.ZM.ZAM174	-----PSAC	
AC.ZM.ZAM184	-----SAC	
ACD.SE.SE8603	--Q---S-C	
AD.SE.SE6954	-G---S--	
AD.SE.SE7108	--K---SNC	
ADHU.NO.NOGIL3	-G--V-A-C	
ADU.CD.MAL	-G---S--	
AG.NG.G3	L-----S-C	
AG.SE.SE7812	-----S-C	
AGHU.GA.VI354	-G--V-A--	
AGJ.AU.BFP90	----V-S-C	
AGJ.ML.95ML84	-----S-C	
AGU.CD.Z321	LG----T-C	
CRF03_AB.RU.KAL1532	---Q--S--	
CRF03_AB.RU.KAL681	---Q--S--	
CRF03_AB.UA.UKR9700	L-----SAC	
CRF01_AE.CF.90CF402	-G---S-C	
CRF01_AE.TH.93TH253	-----S-C	
CRF01_AE.TH.CM240	-----S-C	
CRF01_AE.TH.TH022	-----SAC	
CRF01_AE.TH.TH047	-----SSC	
CRF02_AG.FR.DJ263	----F-S-C	
CRF02_AG.FR.DJ264	--Q---S-C	
CRF02_AG.NG.IBNG	-----S-C	
CRF04_cpx.CY.94CY03	L-----A--	
CRF04_cpx.GR.97PVCH	----V-A--	
CRF04_cpx.GR.97PVMY	-----AAC	
<b>CONSENSUS-B</b>	<b>--?w--s--</b>	
B.-.NL43E9	-----S--	
B.AU.MBC18	--A---S-F	
B.AU.MBC200	--D---S--	
B.AU.MBC925	--G---S-F	

B.AU.MBCC54	--A---S-F
B.AU.MBCC98	--A---S-F
B.AU.MBCD36	--T---S-F
B.CN.RL42	--D---V--
B.DE.D31	-----S--
B.DE.HAN	-----S-F
B.ES.89SP061	--GW--SN-
B.FR.HXB2	-----
B.GA.OYI	--GW--S--
B.GB.CAM1	--NW--S-H
B.GB.MANC	L-AW--S-R
B.NL.3202A21	-----S--
B.TW.LM49	--GW--SN-
B.US.92US657.1	--GW--SN-
B.US.AD8	--GW--S-F
B.US.BC	-----S-F
B.US.CDC452	--AWL-S-C
B.US.DH123	--GW--SNH
B.US.JRCSF	-----S--
B.US.JRFL	-----S--
B.US.MNCG	--AW--SN-
B.US.NC7	--GW--S-S
B.US.NY5CG	--W--S-H
B.US.P896	-----F
B.US.RF	C--W--D--
B.US.SC	--GW--SN-
B.US.SF2	--GW--S--
B.US.WC001	L-GW--SN-
B.US.WEAU160	-GW--N--
B.US.WR27	L-AW--IS-H
B.US.YU2	--GWL-SN-
BF.BR.93BR029.4	-----SSC
<b>CONSENSUS-C</b>	<b>-----s-c</b>
C.BR.92BR025	-----S-C
C.BW.96BW01B21	-----T-C
C.BW.96BW0402	-----S-C
C.BW.96BW0504	L-----SAC
C.BW.96BW1104	-----S-C
C.BW.96BW1210	-----S-C
C.BW.96BW15B03	--T---S-C
C.BW.96BW16B01	--A---SAC
C.BW.96BW17A09	-----S-C
C.DJ.DJ259A	-----SAC
C.DJ.DJ373A	-----S-C
C.ET.ETH2220	L-----SNF
C.IN.21068	-----S-F
C.IN.301904	L-----SAC
C.IN.301905	-----S-C
C.IN.301999	L-----S-C
C.IN.94IN11246	-----SAC
C.SO.SM145A	-----S-C
C.UG.UG268A2	-NQ---S-C
<b>CONSENSUS-D</b>	<b>-g-----s--</b>

D.CD.84ZR085	-G----S--
D.CD.ELI	-A-----
D.CD.NDK	-G---IC-F
D.CD.Z2Z6	-G----S--
D.SN.SE365A2	-G----S--
D.UG.94UG1141	-G---IS--
D.UG.UG269A	-----S--
D.UG.UG274A2	-G----S--
DF.BE.VI961	-AD--VD--
<b>CONSENSUS-F</b>	<b>-----ssc</b>
F.BR.BZ126A	L-----SSC
F.BR.BZ163A	--R---SSC
F1.BE.VI850	L-D---SSC
F1.BR.93BR020.1	--D---SSC
F1.FI.FIN9363	-----SSC
F1.FR.MP411	-----VAC
F2.CM.MP255	-----T--
F2.CM.MP257	-----S-C
<b>CONSENSUS-G</b>	<b>-----sac</b>
G.BE.DRCBL	-----S-C
G.FI.HH8793	-----SSC
G.NG.92NG083	-----SAC
G.SE.SE6165	-----TA-
<b>CONSENSUS-H</b>	<b>-----t?C</b>
H.BE.VI991	-G--V-A-C
H.BE.VI997	-----TDC
H.CF.90CF056	-----TSC
<b>CONSENSUS-J</b>	<b>-----?SSC</b>
J.SE.SE9173	-----SSC
J.SE.SE9280	-----PSSC
<b>CONSENSUS-K</b>	<b>--?-?-S?C</b>
K.CD.EQTB11C	--Q-V-SSC
K.CM.MP535	----L-SAC
<b>CONSENSUS-N</b>	<b>-----SSC</b>
N.CM.YBF30	-----SSC
<b>CONSENSUS-O</b>	<b>LA?--A-V</b>
O.CM.ANT70C	LAA-V-A-V
O.CM.MVP5180	LAT---A-V
<b>CONSENSUS-U</b>	<b>--Q---S-C</b>
U.CD.VI1126	--Q---S-C
<b>CONSENSUS-CPZ</b>	<b>--?-v-?-?</b>
CPZ.CD.CPZANT	LAA-V-R-L
CPZ.GA.CPZGAB	--G-V-A--
CPZ.US.CPZUS	--Q---S-C

CTL

HIV CTL Epitope Alignments

CTL

Rev Epitope 2

Epitope #		HLA
2	SAEPVPLQL	B14, Cw8
<b>B.FR.HXB2</b>	<b>SAEPVPLQL</b>	
<b>CONSENSUS-A</b>	<b>p?-----</b>	
A.KE.Q23-CXC-CG	PT-----	
A.SE.SE6594	-T-----	
A.SE.SE7253	-E-----	
A.SE.SE7535	-T-----	
A.SE.SE8131	-E-----	
A.SE.SE8538	-----	
A.SE.SE8891	PQ----L-	
A.UG.92UG037	P-----	
A.UG.U455	P-----	
A.UG.UG273A	P-----	
A.UG.UG275A	P-----	
AC.IN.21301	-----	
AC.RW.92RW009	PT----F--	
AC.SE.SE9488	-----	
AC.ZM.ZAM174	-E-----	
AC.ZM.ZAM184	-E-----	
ACD.SE.SE8603	-E-----	
AD.SE.SE6954	-Q-----	
AD.SE.SE7108	P-----	
ADHU.NO.NOGIL3	P-----	
ADU.CD.MAL	PE-----	
AG.NG.G3	P-----	
AG.SE.SE7812	-----	
AGHU.GA.VI354	P-----	
AGJ.AU.BFP90	-----	
AGJ.ML.95ML84	-----	
AGU.CD.Z321	PT----FL-	
CRF03_AB.RU.KAL1532	PE---L-H-	
CRF03_AB.RU.KAL681	PE-----H-	
CRF03_AB.UA.UKR9700	-----S---	
CRF01_AE.CF.90CF402	-P-----	
CRF01_AE.TH.93TH253	-T-----	
CRF01_AE.TH.CM240	-T-----	
CRF01_AE.TH.TH022	-T---S-P-	
CRF01_AE.TH.TH047	-T-----P-	
CRF02_AG.FR.DJ263	-----	
CRF02_AG.FR.DJ264	-----	
CRF02_AG.NG.IBNG	-----	
CRF04_cpx.CY.94CY03	P-----	
CRF04_cpx.GR.97PVCH	P-----	
CRF04_cpx.GR.97PVMY	P-----	
<b>CONSENSUS-B</b>	<b>p-----</b>	
B.-.NL43E9	-----	
B.AU.MBC18	PE-S----	
B.AU.MBC200	P-----	
B.AU.MBC925	PT-----	

B.AU.MBCC54	PE-----
B.AU.MBCC98	PE-----
B.AU.MBCD36	PEK----P-
B.CN.RL42	-T-----
B.DE.D31	PEQ----P-
B.DE.HAN	P-----
B.ES.89SP061	P-----
B.FR.HXB2	-----
B.GA.OYI	-----
B.GB.CAM1	P-----
B.GB.MANC	-TQ-----
B.NL.3202A21	-----
B.TW.LM49	P-----
B.US.92US657.1	P----FH-
B.US.AD8	P-----
B.US.BC	-----
B.US.CDC452	-----
B.US.DH123	P-DA----
B.US.JRCSF	P-----
B.US.JRFL	P-----
B.US.MNCG	P-----
B.US.NC7	P-Q-----
B.US.NY5CG	-----
B.US.P896	FE----P-
B.US.RF	-VD--Q---
B.US.SC	L-----
B.US.SF2	-----
B.US.WC001	P-----
B.US.WEAU160	PT----P-
B.US.WR27	P-----
B.US.YU2	PT----F--
BF.BR.93BR029.4	PE-----
<b>CONSENSUS-C</b>	<b>p-----</b>
C.BR.92BR025	P----F--
C.BW.96BW01B21	FT----F--
C.BW.96BW0402	PT-----
C.BW.96BW0504	P----F--
C.BW.96BW1104	-----FL-
C.BW.96BW1210	P-----
C.BW.96BW15B03	PE----F--
C.BW.96BW16B01	P-----
C.BW.96BW17A09	PT---H-P-
C.DJ.DJ259A	P-----
C.DJ.DJ373A	P----F--
C.ET.ETH2220	P-----
C.IN.21068	P-----
C.IN.301904	P-----
C.IN.301905	-----
C.IN.301999	-----
C.IN.94IN11246	P-----
C.SO.SM145A	PT---S---
C.UG.UG268A2	-----
<b>CONSENSUS-D</b>	<b>-e-----</b>

D.CD.84ZR085	-E-----
D.CD.ELI	P-----
D.CD.NDK	PE-----
D.CD.Z2Z6	-E-----
D.SN.SE365A2	-----
D.UG.94UG1141	FE-----
D.UG.UG269A	PE-----
D.UG.UG274A2	-E-----
DF.BE.VI961	PE-----
<b>CONSENSUS-F</b>	<b>pe-----</b>
F.BR.BZ126A	PE-----
F.BR.BZ163A	PE-----
F1.BE.VI850	-E-----
F1.BR.93BR020.1	P-----
F1.FI.FIN9363	LE-----
F1.FR.MP411	PE-----
F2.CM.MP255	PT---LF--
F2.CM.MP257	LQ---R--
<b>CONSENSUS-G</b>	<b>p-----</b>
G.BE.DRCBL	PE-----
G.FI.HH8793	-----
G.NG.92NG083	P----F--
G.SE.SE6165	P-----
<b>CONSENSUS-H</b>	<b>PP-----</b>
H.BE.VI991	P-----
H.BE.VI997	PP-----
H.CF.90CF056	PP---T---
<b>CONSENSUS-J</b>	<b>P-----</b>
J.SE.SE9173	P-----
J.SE.SE9280	P-----
<b>CONSENSUS-K</b>	<b>-?-----</b>
K.CD.EQTB11C	-T-----
K.CM.MP535	-----
<b>CONSENSUS-N</b>	<b>PP---D-P-</b>
N.CM.YBF30	PP---D-P-
<b>CONSENSUS-O</b>	<b>?Q?NN?VD-</b>
O.CM.ANT70C	PQNNNIVD-
O.CM.MVP5180	-QDNNLVD-
<b>CONSENSUS-U</b>	<b>P-----F--</b>
U.CD.VI1126	P-----F--
<b>CONSENSUS-CPZ</b>	<b>???-?d-?-</b>
CPZ.CD.CPZANT	.....
CPZ.GA.CPZGAB	PPK-GD-E-
CPZ.US.CPZUS	-S--PD-P-

Intentionally left Blank