

Protein Alignment Summary Table (Tat)

Name(s)	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	<i>Nature</i> 333 , 457-461 (1988)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	<i>J. Virol.</i> 64 , 1086-92 (1990)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	<i>Virology</i> 176 , 216-221 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	<i>J. Virol.</i> 69 , 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	<i>Virology</i> 182 , 397-402 (1991)
SABIC	U04005	complete genome	Jin, M.J.	<i>EMBO J.</i> 13 , 2935-2947 (1994)
U20812	U20812	tat	Jubier-Maurin, V.	<i>J. Virol.</i> 69 , 7349-7353 (1995)
U20814	U20814	tat	Jubier-Maurin, V.	<i>J. Virol.</i> 69 , 7349-7353 (1995)
SYK	L06042	complete genome	Hirsch, V.M.	<i>J. Virol.</i> 67 , 1517-28 (1993)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	<i>Virology</i> 228 , 394-399 (1997)

```

VERVETV .CON MDKGeeg? .vahnODLi.egykkyL?tcENKcfcCKKCCVHCQDlCFLqkGlgvTYHAPRR.RKKIasiI?r?r?g?r?SISrr?GRD?QltgesQ?KvEt?a?r?r?Igrknl?r?r?avGa?r?r?
AGMTYO      -A--I--S-D-O--O--K-----R--NLA-I-H-----KW--G--PT--E-----T--GSN
AGM155      -D-D--K--R--E-----F--R--I--F-----AD-I-VRQ-----I--S-----K--K--EQ--KANLRIS--GDET--GP--G
AGM3        -D-G-AY--L-A--KR--Y-C-----P-D-I-E-R-----S--R--AFS-----AQQSGR-T--S
SIVREV      -RT-L--R--I--R-----SVQPN-LSQ-D-----G-A-----K-----RETT-AQI--D-ERDK-E--N--
GRIVETV.CON -E--PH-PLL-----HR-QP-----Y-----E-----R--VS-K--.-TSTQDNQD-IRQ-----V-Q-NG--E-GKTE--
AGM677      -E--PH-PLL-----HR-QP-----Y-----E-----R--VS-K--.-TSTQDNQD-IRQ-----V-Q-NG--E-GKTE--
SABAETS.CON --Qe?-aRp.QVWEe-Q-El?r--Qa-d-t-y--?-e--?-?--?--A--Ic-YV--?-R?S--KIqNkV-VHN$-----WT--S--KKK-?T?-G?-?TAD-T---E--?-D-CVPD$Q?GSSG?S
SABIC      -Qe?-aRp.QVWEe-Q-ElHR--Qa-D-T--V--F--I--HK-A--IR-YV--P-RAS-KI-INOVSLHN-----WT--S--KKK-KTA-G$TKTADPT---E-SADTCVPSQlGSSGT$
U20812     -AQE-AR.A.QVWEe-Q-ElOR--Qa-D-P-Y--S--TR-A--IC-YV--K-R-A-KIONNKV-VHN$-----WT--S--KKK-KTA-G$TKTADPT---E-SADTCVPSQlGSSGT$
U20814     -QVR-GR.QVWEe-Q-ElRR--Qa-N-T-Y--A--F--V--N--A--IC-YV--RHS-KIQNnkV-VHN$-----WT--S--KKK-T--G-P-TADHT---E--SDICVPSQlGSSGT$
SYKES.CON  MSSTDIQOTQrVPP.SFlEGTFLE.-G-PTP-----N-----I--AR--K-AARS-SEDDSA-TGTL.PRAG-TQANP--KKKA.....EKDSTSLPSAE--
SYK        MSSTDIQOTQrVPP.SFlEGTFLE.-G-PTP-----N-----I--AR--K-AARS-SEDDSA-TGTL.PRAG-TQANP--KKKA.....EKDSTSLPSAE--
TANAIUS.CON MES.....EGDGMaESILl--H....R--TP-----R-----V-----I--VS-I--.-P-KNHSNHQNLVS-Q--A.-W-GNS-----EKT-IPAA-E-SRRPQ$
TANI       MES.....EGDGMaESILl--H....R--TP-----R-----V-----I--VS-I--.-P-KNHSNHQNLVS-Q--A.-W-GNS-----EKT-IPAA-E-SRRPQ$
    
```